

Permanent weiterentwickelte Lösung, so dass Sie immer einen Schritt voraus sind



TMA Master II und Grand Master

Vollautomatisierte Gewebe-Microarrayer, entwickelt für maximale Kontrolle des Blockdesigns und minimalen Zeitaufwand für die Erstellung hochwertiger Gewebe-Microarrays.

Effizienz

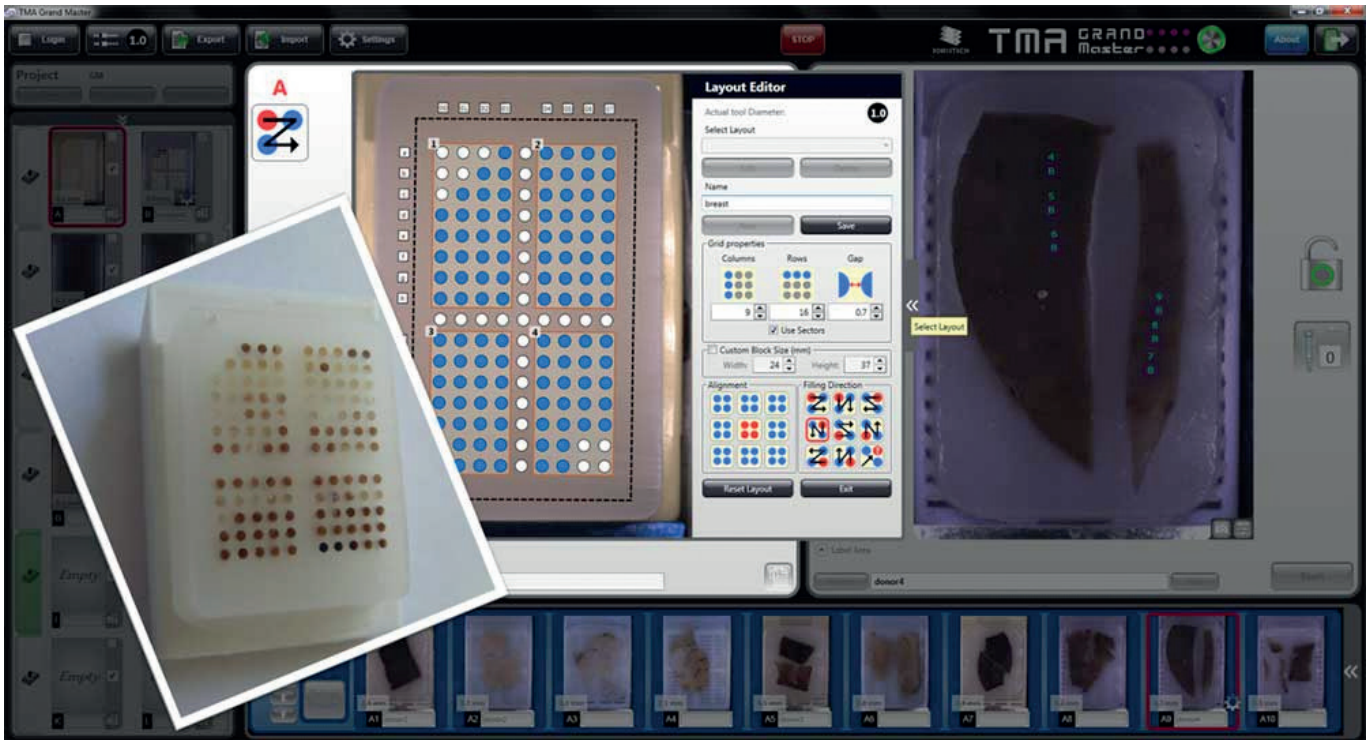
- Vollständig automatisierter Prozess von der Kernausswahl bis zur Erstellung von Empfängerblöcken mit bis zu 500 Proben in einem Block
- **Funktionen zum Importieren von digitalen Bildüberlagerungen und Annotationen** für präzises ROI-Coring
- **Automatisiertes Bohren und Stanzen von Empfängerblöcken** ermöglicht TMA-Erstellung mit hohem Durchsatz

Vielseitigkeit

- Vier Kerngrößenoptionen: **0,6, 1,0, 1,5 und 2,0 mm**
- **Benutzerdefinierbares Empfängerblock-Layout** für vielfältige TMA-Block-Projekt designs
- PCR-Kern-Extraktionsfunktion für molekulare Anwendungen

Qualität

- **Automatisierte Berichtsfunktion**, die eine lückenlose Kontrollkette für jeden Kern und Block ermöglicht
- Lesen von 1D- und 2D-Barcodes ermöglicht den automatischen Abgleich von Spenderblöcken mit ihren digitalen Bildern für einen automatisierten Arbeitsablauf
- Automatische Messung der Blockhöhe stellt sicher, dass die eingebetteten Kerne auf die Oberfläche des Empfängerblocks ausgerichtet sind



	TMA MASTER II®	TMA GRAND MASTER®
Kapazität (Blöcke)	5 (Spender oder Empfänger)	72 (60 Spender, 12 Empfänger)
Geschwindigkeit (pro Stunde übertragene Kerne)	200–250	250–280
Kernbohrungsgrößen (in Millimetern)	0,6, 1, 1,5, 2	
Maximale Anzahl von Kernen pro TMA-Block	558 (0,6 mm), 286 (1 mm), 135 (1,5 mm), 84 (2 mm)	
Datenexportformate	ODS, XLS, XLSX, CSV, XML	
Abmessungen (B x T x H in cm)	38 x 24 x 29	80 x 50 x 46
Gewicht (kg)	8	48

Erfahren Sie mehr unter
epredia.com/solutions/tissue-microarrayers

